

착상전 배아 유전 검사 결과 보고서

Preimplantation Genetic Testing (PGT)

검사 대상자 정보		의료 기관 정보	
성명	원주 *	의료기관명	삼성서울병원
만나이	33세	진료과	산부인과
식별코드	39628328	담당의사명	김성은

검사 정보			
검체채취일	2026-01-21	검체종류	Trophectoderm
검사의뢰일	2026-01-22	검사종류	PGT-A
검사입고일	2026-01-23	검체수	4
결과보고일	2026-01-24	CALL	4
		No CALL	0

검사 결과 요약				
검체식별코드	GC 관리코드	검체종류	염색체 이상 결과	검사결과
W1	GCS2601P1954	Trophectoderm	+ 1,2,3,5,6,8,10,11,12,13,14,15,16,17,18,X -	Abnormal
W2	GCS2601P1955	Trophectoderm	+ -	Normal
W3	GCS2601P1956	Trophectoderm	+ X - 7	Mosaic
W4	GCS2601P1957	Trophectoderm	+ 7,8,9,10,11,12,14,16,19,20,22 - 3,4,5,13,15,17,X	Abnormal

* + (plus) ; 염색체 전체 추가 또는 부분 증복 (gain of chromosome) , - (minus) ; 염색체 전체 소실 또는 부분 결실 (loss of chromosome)

검사자

B.S 윤화영



총괄책임자

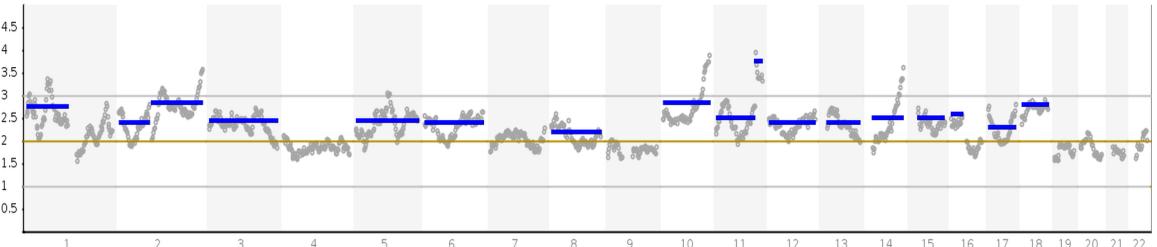
Ph.D 고덕성

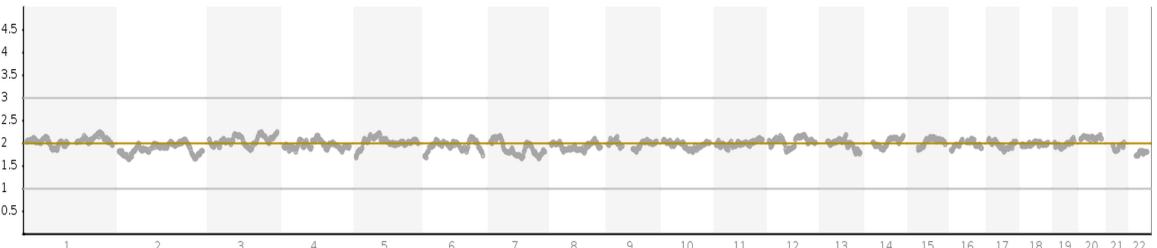


착상전 배아 유전 검사 결과 보고서

Preimplantation Genetic Testing (PGT)

세부 검사 결과

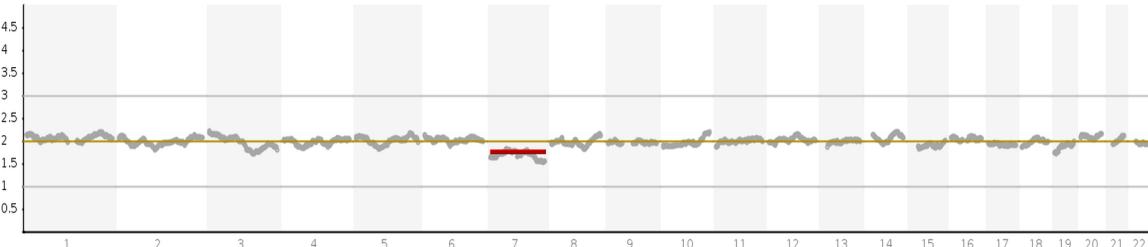
검체 식별 코드	W1	염색체 이상	+	1,2,3,5,6,8,10,11,12,13,14,15,16,17,18,X
GC 관리 코드	GCS2601P1954		-	
Whole Genome view				
결과 소견	Chaotic Aneuploidy, Segmental Aneuploidy			
Segmental Aneuploidy Information	<p>[GRCh37] dup(1)(1p36.33p11.2) chr1:g.521368- 120697156</p> <p>[GRCh37] dup(2)(2p25.3p11.2) chr2:g.10000- 89630436</p> <p>[GRCh37] dup(2)(2q11.1q37.3) chr2:g.95326171- 243102476</p> <p>[GRCh37] dup(11)(11p15.5q23.2) chr11:g.60000- 112651871</p>			
Mosaic Information				

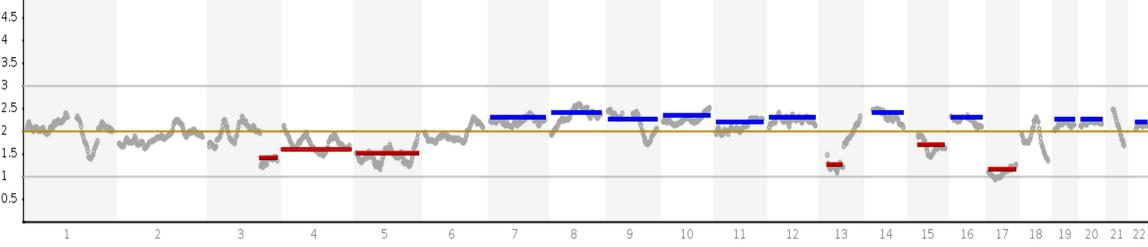
검체 식별 코드	W2	염색체 이상	+	
GC 관리 코드	GCS2601P1955		-	
Whole Genome view				
결과 소견	Euploidy			
Segmental Aneuploidy Information				
Mosaic Information				

착상전 배아 유전 검사 결과 보고서

Preimplantation Genetic Testing (PGT)

세부 결과

검체 식별 코드	W3	염색체 이상	+	X
GC 관리 코드	GCS2601P1956		-	
Whole Genome view				
결과 소견	Mosaic			
Segmental Aneuploidy Information				
Mosaic Information	mos chr7 20%, mos chrX 50%			

검체 식별 코드	W4	염색체 이상	+	7,8,9,10,11,12,14,16,19,20,22
GC 관리 코드	GCS2601P1957		-	3,4,5,13,15,17,X
Whole Genome view				
결과 소견	Chaotic Aneuploidy, Segmental Aneuploidy			
Segmental Aneuploidy Information	[GRCh37] del(3)(3q24q29) chr3:g.145733641- 197962430 [GRCh37] del(13)(13q11q21.31) chr13:g.19020000- 62851975 [GRCh37] del(X)(Xp11.4q24) chrX:g.41179836- 120013235			
Mosaic Information				

Test Method (검사 방법)

1. NGS (차세대염기서열분석법)
2. NGS Library kit : ReproSeq PGS Kit (ThermoFisher Scientific)
3. NGS platform : Ion S5 XL sequencer/ Genexus (ThermoFisher Scientific)
4. Genome build(References genome) : GRCh37/GRCh38
5. Data analysis SW : Ion Reporter ver 5.18.2.0 / Genexus software 6.8(ThermoFisher Scientific)

References & Databases (참고 문헌 및 데이터베이스)

1. ESHRE PGT-SR/PGT-A Working Group, Edith Coonen, Carmen Rubio, Dimitra, Christopikou, Eftychia Dimitriadou, Julia Gontar, Veerle Goossens, Maria Maurer, Francesca Spinella, Nathalie Vermeulen, Martine De Rycke, ESHRE PGT Consortium good practice recommendations for the detection of structural and numerical chromosomal aberrations, Human Reproduction Open, Volume 2020, Issue 3, 2020
2. <https://www.deciphergenomics.org> (DECIPER)

검사의 한계점

1. 지노브로 검사는 (국민건강보험 요양급여에 관한 규칙)[별표]비급여대상 3호 바목, 유전성 질환 등 태아 또는 배아의 이상 유무를 진단하기 위한 유전학적 검사입니다.
2. 지노브로 검사는 차세대염기서열분석법 (NGS) 기반 착상 전 배아 염색체 이수성 선별 검사 (Screening test)입니다.
3. 배아 세포의 소실(Apoptosis) 또는 상태 이상 등의 이유로 DNA QC 기준에 부적합한 검체는 "No Call"로 결과가 보고됩니다.
4. 지노브로 검사는 염색체 수적 이상, 부분 염색체(10Mb 크기 이상)의 중복 및 결실 또는 일부 구조적 이상 이외의 유전자 변이 (겹돌연변이 등), 단친 이염색체 (Uniparental disomy), 모자이시즘, 배수성 (Polyploidy), 또는 일부 염색체 변이(균형전좌, 균형역위, 미세결실 또는 미세중복 등)를 검출 할 수 없습니다.
5. 지노브로 검사는 선별 검사이며, 배아 발달 과정에서 발생할 수 있는 모자이시즘 및 기타 원인으로 인해 위험성의 가능성을 배제할 수 없으므로, 임신 성공 후 확진을 위해 융모막 융모 검사 또는 양수 검사 등의 진단 검사 (Diagnostic test)를 통해 태아 염색체의 재확인이 반드시 필요합니다.
6. 본 검사는 보험 미등재 조제시약의 검사로 분석 및 임상적 성능에 대한 검사 기관의 자체 평가를 통해 검증을 완료했습니다.
7. 본 검사 전 후 유전 상담이 필요합니다.

검사자

B.S 윤화영



총괄책임자

Ph.D 고덕성

